

POPULÄRVETENSKAPLIG SAMMANFATTNING (kan även även bifogas som bilaga)

Organisationens namn	Statens veterinärmedicinska anstalt
Projekttitel	Molekylärobiologiska typning av VTEC-stammar från smittspårning och studier utförda av SVA och externa samarbetspartners
Sammanfattning	<p>VTEC-bakterier, som även kallas "EHEC" (när människor blir sjuka) eller "STEC" orsakar allvarlig sjukdom hos framförallt barn, och dödsfall förekommer. Normalt lever bakterierna i tarmen hos nötkreatur och andra idisslare, som inte själva blir sjuka av dem.</p> <p>Det finns många typer av VTEC-bakterier, men de flesta sjukdomsfallen hos människor orsakas av ett fåtal typer. Typerna kan identifieras med molekylärobiologiska tester som undersöker genetiska egenskaper hos bakterierna. På senare år används oftast helgenomsekvensering, som innebär att man läser ut och jämför hela bakteriernas DNA (arvsmassa). Bakteriens arvsmassa kan också användas som ett "fingeravtryck" för att visa att samma stam av bakterier finns i t.ex. en misstänkt smittkälla och en person som blivit sjuk.</p> <p>I det aktuella projektet har forskningsprojekt och smittspårningar som skett under 2019 fått stöd med helgenomsekvensering. Det har gett oss en bättre bild av vilka VTEC-bakterier som är farliga i Sverige och var de finns. Vi har även vid ett antal tillfällen kunnat knyta djur som smittkällor till människor som blivit sjuka.</p>